



TESTE GENÉTICO MICROBIOMA 16S

www.institutovidaleveoficial.com.br



(48)99135-5066



@institutovidaleveoficial

TESTE GENÉTICO MICROBIOMA 16S

O Pannel genético microbioma 16S analisa a composição bacteriana presente no seu intestino, permitindo assim, identificar e quantificar as bactérias do microbioma intestinal e associar esses padrões a aspectos de saúde, dieta e risco de doenças.

Proposta de Valor: (Consulta, teste genético e orientação nutricional e genética)
R\$ 10 x 148,00

- **FILO** – A análise de filo de bactéria é uma visão macro do microbioma, mostrando a distribuição dos grandes grupos bacterianos

Firmicutes (55%) → maioria, ligados à absorção de energia.

Bacteroidetes (30%) → importantes na digestão de fibras.

Actinobacteria (8%) → Filo potencialmente benéfico, por estar associado a produção de ácidos graxos de cadeia curta.

Proteobacteria (5%) → Uma expansão anormal de Proteobacteria compromete a estabilidade de uma comunidade microbiana, e a abundância deste filo é uma assinatura diagnóstica potencial de disbiose.

Verrucomicrobia (2%) → Uma expansão anormal deste filo pode se associar a uma rápida degradação da camada protetora de muco intestinal, favorecendo uma permeabilidade intestinal aumentada.

- **ANÁLISE DE GÊNERO:**

GÊNERO	FILO
Bacteroides	Bacteroidetes
Akkermansia	Verrucomicrobia
Phascolarctobacterium	Firmicutes
Barnesiella	Bacteroidetes
Alicyclobacillus	Firmicutes
Alistipes	Bacteroidetes
Fodinicurvata	Proteobacteria
Eubacterium	Firmicutes
Faecalibacterium	Firmicutes
Parabacteroides	Bacteroidetes

A análise de gênero permite verificar se há predominância de gêneros benéficos ou potencialmente nocivos.

➤ ANÁLISE DE ESPÉCIES PATOGÊNICAS

BACTÉRIAS PATOGÊNICAS	
1 <i>Bacteroides fragilis</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
2 <i>Campylobacter jejuni</i>	- Patógena
3 <i>Chlamydia trachomatis</i>	- Patógena
4 <i>Chlamydophila pneumoniae</i>	- Patógena
5 <i>Chlamydophila psittaci</i>	- Patógena
6 <i>Clostridium botulinum</i>	- Patógena
7 <i>Clostridium difficile</i>	- Patógena
8 <i>Corynebacterium diphtheriae</i>	- Patógena
9 <i>Ehrlichia chaffeensis</i>	- Patógena
10 <i>Enterococcus faecalis</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
11 <i>Enterococcus faecium</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
12 <i>Escherichia coli</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
13 <i>Fusobacterium nucleatum</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
14 <i>Gardnerella spp</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
15 <i>Helicobacter pylori</i>	- Patógena
16 <i>Klebsiella pneumoniae</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
17 <i>Legionella pneumophila</i>	- Patógena
18 <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
19 <i>Rickettsia rickettsii</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
20 <i>Salmonella spp</i>	- Patógena
21 <i>Serratia marcescens</i>	- Patógena
22 <i>Shigella dysenteriae</i>	- Patógena
23 <i>Shigella sonnei</i>	- Patógena
24 <i>Staphylococcus aureus</i>	- Patógena
25 <i>Streptococcus agalactiae</i>	- Patógena
26 <i>Streptococcus pneumoniae</i>	- Patógena
27 <i>Streptococcus pyogenes</i>	- Patógena
28 <i>Streptococcus viridans</i>	- Podem estar na microbiota normal, mas podem causar disbiose
29 <i>Vibrio cholerae</i>	- Patógena
30 <i>Yersinia pestis</i>	- Patógena